

- 1 160 590
- 2 RS\_WIL\_01  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTAGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
- 3 RS\_WIL\_04  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
- 4 RS\_WIL\_05  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
- 5 RS\_WIL\_06  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCGTTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
- 6 RS\_WIL\_07  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
- 7 RS\_WIL\_08  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
- 8 RS\_WIL\_09  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

```

9 RS_WIL_10
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTCGACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

10 RS_WIL_11
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTCGACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATCACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTACGCAGACAAAATATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

11 RS_WIL_12
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTCGACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

12 RS_WIL_13
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTCGACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

13 RS_WIL_14
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTCGACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

14 RS_WIL_15
TGACTCTGACCTACTGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTCGACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

15 RS_WIL_16
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTCGACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

```

16 DC LITL 17

```

16 RS_WIL_17
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCCATTA CTGCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTGCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

17 RS_WIL_20
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCCATTA CTGCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTGCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

18 RS_WIL_21
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCCATTA CTGCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTGCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

19 RS_WIL_22
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCCATTA CTGCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTGCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

20 RS_WIL_26
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCCATTA CTGCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTGCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

21 RS_WIL_28
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCCATTA CTGCAACGAATATATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTGCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

22 RS_CHA_10
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA
CACAGCCTCAGAGCCCATTA CTGCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTGCCCTTCT
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

23 RS_CHA_11
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC

```

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCGTCACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

24 RS\_CHA\_12  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

25 RS\_CHA\_13  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGGACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

26 RS\_CHA\_14  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

27 RS\_CHA\_15  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTAGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

28 RS\_CHA\_16  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

29 RS\_CHA\_17  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

30 RS\_CHA\_18  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGC TAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC

TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATATATATTACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCTACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCATCTCTGACTCCC

31 RS\_CHA\_19

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

32 RS\_CHA\_20

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

33 RS\_CHA\_21

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

34 RS\_CHA\_23

TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

35 RS\_CHA\_24

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAGCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGTAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

36 RS\_CHA\_25

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCCTCACTTCCCTGCAAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATGTTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

37 RS\_CHA\_26

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA

CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

38 RS\_CHA\_29

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTAGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

39 RS\_CHA\_39

TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

40 RS\_CHA\_40

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

41 RS\_CHA\_41

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

42 RS\_GEO\_56

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATCACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

43 RS\_GEO\_55

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

44 RS\_GEO\_69

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

45 RS\_GEO\_64

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATATATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

46 RS\_GEO\_72

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

47 RS\_GEO\_74

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

48 RS\_GEO\_73

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

49 RS\_GEO\_62

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

50 RS\_GEO\_59

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

51 RS\_GEO\_71

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAACCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG

GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

52 RS\_GEO\_60  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

53 RS\_GEO\_65  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATCACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

54 RS\_GEO\_57  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATCACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

55 RS\_GEO\_63  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

56 RS\_GEO\_67  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

57 RS\_GEO\_68  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

58 RS\_GEO\_61  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTATAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC



CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

59 RS\_GEO\_70

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

60 RS\_GEO\_51

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

61 RS\_GEO\_58

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

62 RS\_DAY\_01

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

63 RS\_DAY\_02

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

64 RS\_DAY\_04

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

65 RS\_DAY\_05

TGACTCTGACCTACTGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

66 RS\_DAY\_06  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACCTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

67 RS\_DAY\_08  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACCTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

68 RS\_DAY\_09  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACCTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

69 RS\_DAY\_10  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACCTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

70 RS\_DAY\_11  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACCTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

71 RS\_DAY\_14  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACCTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTATACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

72 RS\_DAY\_15  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACCTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
73 RS\_DAY\_16  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGTAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
74 RS\_DAY\_17  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
75 RS\_DAY\_18  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
76 RS\_DAY\_19  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
77 RS\_DAY\_20  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
78 RS\_DAY\_21  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
79 RS\_DAY\_22  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

80 RS\_DAY\_23  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

81 RS\_DAY\_24  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

82 RS\_MEL\_62  
TGACTCTGGCCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

83 RS\_MEL\_61  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTGCACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTACATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTCATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

84 RS\_MEL\_64  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATGTTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

85 RS\_MEL\_50  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTAGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

86 RS\_MEL\_51  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTAGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

87 RS\_MEL\_52

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

88 RS\_MEL\_53

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTAGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

89 RS\_MEL\_54

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATCACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTAGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

90 RS\_MEL\_56

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

91 RS\_MEL\_58

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

92 RS\_MEL\_60

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATGTTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

93 RS\_MEL\_63

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

94 RS\_MEL\_65

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC

TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

95 RS\_MEL\_66  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

96 RS\_MEL\_67  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

97 RS\_MEL\_68  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

98 RS\_MEL\_69  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

99 RS\_MEL\_70  
TGACTCTGACCTACTGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

100 RS\_MEL\_71  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATATATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

101 RS\_MEL\_72  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCCTGTCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA

CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

102 RS\_SAR\_21

TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

103 RS\_SAR\_26

TGACTCTGACCTACTGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

104 RS\_SAR\_27

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAGATCTTCTTAATTATAGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

105 RS\_SAR\_28

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATACCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

106 RS\_SAR\_29

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTGCTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

107 RS\_SAR\_31

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

108 RS\_SAR\_32

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

109 RS\_SAR\_34  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

110 RS\_SAR\_36  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

111 RS\_SAR\_37  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

112 RS\_SAR\_39  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

113 RS\_SAR\_41  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

114 RS\_SAR\_43  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

115 RS\_SAR\_44  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCAGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC



GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTCTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

116 RS\_SAR\_45  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

117 RS\_SAR\_46  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

118 RS\_SAR\_47  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

119 RS\_SAR\_48  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

120 RS\_SAR\_49  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

121 RS\_SAR\_50  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

122 RS\_MID\_02  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTACTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTGTGGAACCCTGTCCCTTCT

CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

123 RS\_MID\_03  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

124 RS\_MID\_04  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

125 RS\_MID\_05  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCGACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

126 RS\_MID\_07  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGGACCCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

127 RS\_MID\_08  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

128 RS\_MID\_10  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

129 RS\_MID\_11  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCCGTCCACACCCCTCCTGGTCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACCTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

CACCC TCCAA TACTCCAA CCCC TCCAA CT TACAAC CT ATGCAGACA AACT ATGATGACAG CCTGCC TACTAGCTTTT TAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

130 RS\_MID\_12  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

131 RS\_MID\_13  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

132 RS\_MID\_14  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

133 RS\_MID\_15  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

134 RS\_MID\_17  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

135 RS\_MID\_18  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

136 RS\_MID\_19  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAAAATATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
137 RS\_MID\_20  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
138 RS\_MID\_21  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
139 RS\_MID\_22  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
140 RS\_MID\_23  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
141 RS\_MID\_24  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCAGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
142 RS\_PAN\_67  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAATAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC  
143 RS\_PAN\_75  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTATACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTTGTGCGACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAATTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

144 RS\_PAN\_66  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

145 RS\_PAN\_73  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

146 RS\_PAN\_77  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTCATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAGCAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

147 RS\_PAN\_76  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTCATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

148 RS\_PAN\_70  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

149 RS\_PAN\_63  
TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

150 RS\_PAN\_74  
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACTCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCTCTCCAACCTTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

151 RS\_PAN\_57

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

152 RS\_PAN\_71

TGACTCTGACCTACTGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

153 RS\_PAN\_58

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

154 RS\_PAN\_69

TGACTCTGACCTACAGCCCTCCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

155 RS\_PAN\_78

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

156 RS\_PAN\_64

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

157 RS\_PAN\_61

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC

158 RS\_PAN\_60

TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCATTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC

```
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
```

159 RS\_PAN\_59

```
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
```

160 RS\_PAN\_72

```
TGACTCTGACCTACAGCCCTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
```

161 RS\_PAN\_56

```
TGACTCTGACCTACAGCCCTTCTACACAGCCTAGTAATTGCACTTGCTAGCCTCACCTGATTGAAAAACCTCTCAGAAACAGGCTGGTCCTGCC  
TAAACCCCTACATAGCAACAGACCCCTGTCCACACCCCTCCTGGTCCTTACCTGCTGACTCCTTCCCCTCATAATCCTTGCTAGCCAAAACCA  
CACAGCCTCAGAGCCCATTACTCGTCAACGAATGTATATTACACTCCTCACTTCCCTACAAATCTTCTAATTATGGCCTTCGGTGCCACCGAA  
ATCATTATATTCTACGTTATATTTGAAGCCACACTTATCCCCACGCTTTTCTCATCACCCGCTGAGGAAACCAAACAGAGCGACTTAACGCCG  
GAACTTACTTCTTATTTTACACCCTGGCGGGGTCCCTTCCCCTCCTGTGCGCACTTCTCCTTCTCCAAAACAGTACTGGAACCCTGTCCCTTCT  
CACCTCCAATACTCCAACCCTCTCCAACCTACAACCTATGCAGACAAACTATGATGAACAGCCTGCCTACTAGCTTTTTTAGTAAAAATGCCA  
CTCTACGGCGTCCACCTCTGACTCCC
```

162

dpornoy • Sept 9th at 10:40 AM  
File one to be posted on the web